

**Ankieta badająca poziom przygotowania osoby po zakończeniu uczestnictwa w danej formie wsparcia  
Ocena podsumowująca wiedzę zdobytą podczas uczestnictwa w wybranym przez Pana/Panią kursie**

Jak ocenia Pan/Pani swój obecny poziom wiedzy z każdego przedmiotu po ukończeniu kursu?

Proszę zaznaczyć tylko jedną odpowiedź gdzie 0 oznacza **brak wiedzy**, 1-poziom **bardzo niski**, 2- **niski**, 3-**średni**, 4- **wysoki**, 5- **bardzo wysoki** poziom wiedzy.

**Zajęcia wprowadzające do analizy danych wysokoprzepustowych:**

1. **BWwM** : Badania wysokoprzepustowe w medycynie – wprowadzenie:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

2. **IBW**: Infrastruktura w badaniach wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

3. **PNI**: Podstawowe narzędzia informatyczne (Python):

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

4. **PBDNADW**: Podstawowe bazy danych i narzędzia do analizy danych wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

5. **PAWPR**: Podstawy analizy z wykorzystaniem pakietu R

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

6. **BD**: Zastosowanie narzędzi Big Data w analizach omicznych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

7. **DL**: Modelowanie Deep Learning w badaniach biomedycznych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

8. **Ety-RODO**: Etyczne aspekty biomedycznych badań wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

**Praktyczne wykorzystanie analiz wysokoprzepustowych – zajęcia praktyczne poprzedzone wstępem teoretycznym:**

a. **Gen**: Genomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

b. **Transk**: Transkryptomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

c. **Microb**: Metagenomika/ Mikrobiom:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

d. **Epigen**: Epigenomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

e. **Prot**: Proteomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

f. **Metabol**: Metabolomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5